

Gene	Accession number	Comment
NPY2R	gi 1000751	
PRLHR	gi 1002739	
OR09.01.12	gi 10092669	
V1RL1	gi 10190668	
GABBR1	gi 10835015	
HTR2A	gi 10835175	
HTR1F	gi 10835197	
HTR7	gi 10880131	
ADRA2C	gi 11055421	
EDG4	gi 11066254	
OR17.03.02	gi 11386153	
OR17.05.01	gi 11415034	
NPFF1	gi 11545887	
C3AR	gi 1199578	
T2R9	gi 12965172	
T2R8	gi 12965174	
T2R7	gi 12965176	
T2R13	gi 12965178	
T2R10	gi 12965180	
T2R14	gi 12965182	
GPR61	gi 13122461	99% Identical to the sequence used
HTR5	gi 13236497	
CELSR2	gi 13325064	
CELSR3	gi 13325066	
FKSG46	gi 13384175	
HRH2	gi 13435405	
EDG8	gi 13540517	
OR11.06.02	gi 13540539	
GPR63	gi 13540557	
OR17.01.03	gi 13562104	
OR19.04.07	gi 13624325	
OR06.05.01	gi 13624329	
OR06.04.01	gi 13624331	
OR06.11.01	gi 13624335	
OR19.04.10	gi 13775162	
OR07.01.01	gi 13929212	
CCBP2	gi 13929467	
FZD8	gi 13994190	
FKSG83	gi 14042951	
CCR9	gi 14043044	
LEC3	gi 14149677	
FKSG79	gi 14211849	
FKSG80	gi 14211851	
EMR3	gi 14211883	
GPR128	gi 14249454	
HRH4	gi 14251205	
C5R1	gi 14290436	
OR11.04.01	gi 14423840	
CHRM4	gi 14573543	97% Identical to the sequence used
GPR18	gi 15029528	
OR11.04.02	gi 15042965	
OPN4	gi 15150803	
MRGX1	gi 15546062	
MRGX3	gi 15546066	99% Identical to the sequence used
VIPR1	gi 15619006	

MRG	gi 16418463	
GPR78	gi 16566319	98% Identical to the sequence used
GPR103	gi 16566347	
TAR5	gi 16751917	
GPR101	gi 16876435	
MRGX2	gi 16876451	
MRGF	gi 16877435	
EDG2	gi 16950638	
CMKLR1	gi 1732343	
FZD5	gi 17433018	99% Identical to the sequence used
GPR124	gi 17511205	
ADRA2A	gi 178192	
ADRA2B	gi 178198	
H963	gi 17901945	
CD97	gi 17978491	
DRD2	gi 17986270	
GPR82	gi 18201870	
GHRHR	gi 183173	
LGR8	gi 18677729	
NPY1R	gi 189154	
VLGR1	gi 19882213	
GPR146	gi 19923975	
TAS1R3	gi 20142349	
V1RL2	gi 20152278	
GPCR29	gi 20152286	
T2R47	gi 20336523	
GPR73	gi 20373179	
BDKRB1	gi 20544172	
TAR1	gi 21264324	
RGR	gi 21361329	
GPR73L1	gi 21426829	
LGR4	gi 21542532	
C11ORF4	gi 21706644	
NT010306	gi 21706644	
GPCR43	gi 21748554	
OR11.23.01	gi 21928291	
OR11.20.01	gi 21928365	
OR11.28.01	gi 21928463	
OXER1	gi 22507376	
GPRC6A	gi 22507380	
FZD4	gi 22547161	
TAS1R2	gi 22726203	
OR11.06.01	gi 22748911	
DRD3	gi 227503	
AGTR2	gi 23238240	
GABABL	gi 23308585	
EMR2	gi 23397681	
P2Y11	gi 23463303	
GPR26	gi 23592220	
OR11.29.02	gi 23592222	
OR11.29.01	gi 23592230	
HE6	gi 23953678	
GPR112	gi 24285980	
GPR116	gi 24286029	98%% Identical to the sequence used
GPR113	gi 24475867	
GPR114	gi 24475871	

GPCR19	gi 24850109	
EDG1	gi 2668608	99% Identical to the sequence used
PERVAR1	gi 27447045	
PERVAR2	gi 27447047	
OPRD1	gi 27545517	
TAR4	gi 28173558	
GPR125	gi 28195599	
GNRHR1	gi 28380053	99% Identical to the sequence used
PTGDR	gi 28466969	
OR11.38.10	gi 28570170	
T2R51/50	gi 28603626	
T2R52	gi 28603628	
T2R53/44	gi 28603630	
T2R54/46	gi 28603632	
T2R61/38	gi 28603640	
OR06.03.03	gi 28626523	
NMU1R	gi 2865470	
P2Y2	gi 28872720	
CCKBR	gi 28875799	
T2R39	gi 28882026	
T2R40	gi 28882033	
T2R48	gi 28882035	
T2R60/56	gi 28973795	
P2Y12	gi 29029605	
P2Y6	gi 29029612	
T2R45	gi 29126245	
HM74a	gi 29171311	
P2Y13	gi 29171721	
PACAPR	gi 29171759	
TAS1R1	gi 29294615	
GPR123	gi 29789277	
MC3R	gi 299419	
P2Y8	gi 30023826	
OR11.42.04	gi 30039688	
F2R	gi 30354672	
GPR119	gi 30425400	
GPR8	gi 30581164	
GPR133	gi 30844176	99% Identical to the sequence used
GPR45	gi 31083315	
RDC1	gi 31083344	
T2R55	gi 31088852	
ETBRLP2	gi 31377793	
BLTR	gi 31881792	
OR06.08.02	gi 32060562	99% Identical to the sequence used
GPR120	gi 32165518	
GPR136	gi 32165522	
GPR135	gi 32261309	
OXTR	gi 32307152	
CRHR2	gi 32307159	
CHRM1	gi 32318	99% Identical to the sequence used
GPR142	gi 32401433	
GPR141	gi 32401435	
GPR54	gi 32454260	
DRD4	gi 32483397	
RLN3R2	gi 32490567	
GPR144	gi 32699042	

OPRL1	gi 33286424	
GPR72	gi 33354257	
GPR35	gi 33695097	
GPR65	gi 33695104	
GPR55	gi 33695107	
P2Y5	gi 33695113	
P2Y3L	gi 34495184	
F2RL1	gi 34577052	
GPR88	gi 34596208	
FZD6	gi 34734079	
MC1R	gi 34791	99% Identical to the sequence used
GPR62	gi 34878896	
CCR6	gi 37187860	
OR17.01.01	gi 37538297	99% Identical to the sequence used
CASR	gi 37577159	
OR07.03.01	gi 3766131	
CCR10	gi 38016879	
FSHR	gi 38016881	
NTSR1	gi 38016885	
GPR25	gi 38194224	
P2Y10	gi 38327548	
OR06.06.01	gi 38372635	98% Identical to the sequence used
OR06.12.03	gi 38372658	
OR14.02.01	gi 38372666	
OR11.15.06	gi 38372705	
OR11.48.08	gi 38372737	
OR11.49.09	gi 38372738	
OR11.30.01	gi 38372828	
GHSR/GHRELII	gi 38455410	
FPRL2	gi 38455413	
PTGER3	gi 38505190	
SCTR	gi 38609719	
OR17.01.04	gi 38679898	
EDG3	gi 38788193	
OPRK1	gi 39725940	
OR19.04.08	gi 39812355	
OGR1	gi 40217829	
GPRC5C	gi 40217831	
HTR2B	gi 40254431	
GABBR2	gi 40255245	
GPR150	gi 40385873	
GPR97	gi 40538804	
P2Y14	gi 40789054	
SREB2	gi 40796189	
CRTH2	gi 40846396	
EDG5	gi 4090956	
PTGER1	gi 409488	
HTR4	gi 41282074	
GPR56	gi 41584200	
TBXA2R	gi 42518082	
MRGD	gi 42794265	
OR01.12.01	gi 43916899	
OR01.09.01	gi 43916920	99% Identical to the sequence used
OR11.38.08	gi 43917017	
OR11.38.07	gi 43917029	99% Identical to the sequence used
OR19.04.01	gi 43917316	

OR17.04.01	gij 43917468	
OR11.20.03	gij 43917640	
OR11.13.04	gij 43917664	99% Identical to the sequence used
OR12.04.02	gij 43917709	
OR06.07.01	gij 43917858	
OR11.07.01	gij 43917941	99% Identical to the sequence used
OR11.11.04	gij 43918031	
OR11.01.04	gij 43918253	
OR11.50.03	gij 43918301	
OR11.48.06	gij 43918331	
OR11.43.01	gij 43918460	99% Identical to the sequence used
OR11.32.04	gij 43918524	
OR11.32.05	gij 43918537	
OR11.32.03	gij 43918585	99% Identical to the sequence used
OR11.39.02	gij 43918749	
OR17.03.01	gij 43918829	
OR14.07.06	gij 43918888	
OR14.06.01	gij 43918901	
OR14.06.03	gij 43918913	99% Identical to the sequence used
OR06.02.04	gij 43918926	99% Identical to the sequence used
OR01.07.01	gij 43919110	
OR11.49.10	gij 43919137	
OR11.01.03	gij 43919220	
OR11.12.01	gij 43919413	
OR16.01.02	gij 43919515	
OR07.01.05	gij 43919698	99% Identical to the sequence used
OR07.01.03	gij 43919714	
OR11.48.07	gij 43919750	
OR11.47.03	gij 43919779	99% Identical to the sequence used
OR06.02.01	gij 43919871	
OR09.05.01	gij 43920086	99% Identical to the sequence used
OR01.13.01	gij 43920195	99% Identical to the sequence used
OR15.02.02	gij 43920429	
OR15.02.01	gij 43920442	
OR11.43.03	gij 43920554	
OR11.49.03	gij 43920737	
OR11.24.02	gij 43920887	
GPR127	gij 44887876	
ADORA1	gij 4501947	
ADORA2B	gij 4501951	
ADORA3	gij 4501953	
ADRA1D	gij 4501957	
ADRA1B	gij 4501959	
ADRB2	gij 4501969	
AGTR1	gij 4501997	
AVPR1A	gij 4502331	
AVPR1B	gij 4502333	
BAI1	gij 4502355	
BAI2	gij 4502357	
BAI3	gij 4502359	
OPN1SW	gij 4502387	
CXCR5	gij 4502415	
BRS3	gij 4502455	
CALCR	gij 4502547	
CCKAR	gij 4502607	
CCR1	gij 4502631	

CCR2	gi 4502633
CCR3	gi 4502637
CCR5	gi 4502639
CCR7	gi 4502641
CHRM3	gi 4502819
CXC3R1	gi 4503171
CXCR4	gi 4503175
DRD1	gi 4503383
DRD5	gi 4503391
EDG6	gi 4503459
EDNRA	gi 4503465
FPR1	gi 4503779
FZD1	gi 4503825
FZD2	gi 4503827
FZD7	gi 4503833
FZD9	gi 4503835
GALR1	gi 4503903
GALR2	gi 4503905
GALR3	gi 4503907
GCGR	gi 4503947
OPN1MW	gi 4503965
GIPR	gi 4503999
GNRHR	gi 4504059
CMKLR2	gi 4504091
GPR32	gi 4504093
GHRELIN	gi 4504095
GPR39	gi 4504097
CXCR3	gi 4504099
GRM1	gi 4504135
GRM4	gi 4504141
GRM6	gi 4504145
GRM7	gi 4504147
LGR5	gi 4504379
HRH1	gi 4504491
HTR1B	gi 4504533
HTR1D	gi 4504535
HTR1E	gi 4504537
HTR2C	gi 4504541
HTR6	gi 4504545
CXCR1	gi 4504681
CXCR2	gi 4504683
MAS	gi 4505105
NMBR	gi 4505407
OR17.04.03	gi 4505517
OR17.01.02	gi 4505519
P2Y1	gi 4505557
P2Y4	gi 4505561
PNR	gi 4505925
PTGER4	gi 4506259
PTGFR	gi 4506261
PTGIR	gi 4506263
PTHR1	gi 4506271
GPRC5A	gi 4506403
RHO	gi 4506527
TACR1	gi 4507343
TACR2	gi 4507345

99% Identical to the sequence used

TM7SF1	gij 4507545
TRHR	gij 4507681
GPR52	gij 4545134
OR09.01.02	gij 45504346
OR06.02.03	gij 45504386
ADRB1	gij 4557265
ADRB3	gij 4557267
AVPR2	gij 4557345
BDKRB2	gij 4557359
EDNRB	gij 4557547
HCRTR1	gij 4557637
HCRTR2	gij 4557639
LHCGR	gij 4557717
OA1	gij 4557807
SSTR1	gij 4557857
SSTR2	gij 4557859
SSTR3	gij 4557861
SSTR5	gij 4557865
OR06.08.01	gij 45594310
NMU2R	gij 45709228
GPR1	gij 45709641
OR05.01.01	gij 46047429
OR09.06.01	gij 46048143
CRHR1	gij 461836
GPR152	gij 46243671
GRM3	gij 46358417
OR11.42.05	gij 46395479
GPR148	gij 46409360
GPR153	gij 46409372
CNR2	gij 46854759
GPR158	gij 47059125
SUCNR1	gij 47271392
F2RL2	gij 4758326
GLP2R	gij 4758438
GPR50	gij 4758468
NPFF2	gij 4758820
GRM8	gij 47717935
EBI2	gij 4826706
PTHR2	gij 4826954
OR07.04.03	gij 48717231
OR07.04.02	gij 48717234
OR07.04.01	gij 48717323
AGTRL1	gij 4885057
CCR8	gij 4885121
GPR12	gij 4885295
GPR15	gij 4885299
GPR17	gij 4885301
GPR20	gij 4885305
GPR21	gij 4885307
P2Y9	gij 4885311
GPR34	gij 4885319
ETBRLP1	gij 4885323
GPR3	gij 4885325
GPR40	gij 4885327
GPR41	gij 4885329
GPR43	gij 4885333

97% Identical to the sequence used

GPR4	gij 4885335
CCXCR1	gij 4885339
GPR6	gij 4885341
GRPR	gij 4885361
OR01.04.01	gij 49227741
OR01.04.06	gij 49227791
OR01.04.07	gij 49227791
TAR3	gij 49574495
OR09.04.01	gij 50052934
OR11.22.01	gij 50053006
OR14.05.01	gij 50054442
OR01.06.01	gij 50054449
OR11.15.01	gij 50054459
OR11.17.04	gij 50054463
OR11.01.05	gij 50054466
OR01.01.01	gij 50054470
OR01.06.02	gij 50054473
OR11.36.02	gij 50054477
OR11.17.01	gij 50054481
OR11.48.03	gij 50080193
OR11.26.03	gij 50080195
OR09.01.07	gij 50080197
OR19.04.04	gij 50080201
OR09.01.09	gij 50233846
OR11.50.01	gij 50233848
OR14.02.02	gij 50233850
OR01.01.05	gij 50233854
OR11.37.02	gij 50233856
OR01.04.09	gij 50233858
OR01.02.01	gij 50233864
CALCRL	gij 5031621
CCR4	gij 5031627
SMOH	gij 5032099
OR17.06.01	gij 50897264
OR11.39.05	gij 50897270
OR11.38.02	gij 50897282
OR11.38.03	gij 50897292
F2RL3	gij 50960696
OR11.34.01	gij 50979290
OR11.31.02	gij 51230656
Etl	gij 51458584
OR07.02.01	gij 51466441
HM74	gij 5174461
MC4R	gij 5174533
MC5R	gij 5174535
MTNR1A	gij 5174593
MTNR1B	gij 5174595
OR11.49.01	gij 51783971
OR11.39.07	gij 51783977
OR14.07.03	gij 51854211
OR11.49.02	gij 51871367
OR07.01.04	gij 51921273
OR11.19.02	gij 51921275
OR12.01.01	gij 51921277
OR01.04.08	gij 51921381
GPR158L	gij 51972246

99% Identical to the sequence used

OR09.05.02 gij52218826
OR19.02.01 gij52218828
OR11.48.02 gij52218830
OR09.04.04 gij52218832
OR19.05.05 gij52218834
OR11.42.02 gij52218836
OR01.09.02 gij52218838
OR11.48.01 gij52218840
OR01.09.06 gij52218842
OR19.05.02 gij52218844
OR01.09.07 gij52218846
OR11.43.02 gij52218848
OR14.03.01 gij52218850
OR01.09.04 gij52218852
OR09.01.05 gij52218854
OR09.01.03 gij52218858
OR14.03.02 gij52218860
OR09.01.01 gij52218862
OR09.01.10 gij52218864
OR0X.01.01 gij52218868
OR11.21.01 gij52218872
OR09.03.02 gij52219202
OR14.06.02 gij52317094
OR11.49.07 gij52317096
OR11.26.02 gij52317100
OR16.03.01 gij52317102
OR11.37.01 gij52317104
OR11.49.06 gij52317106
OR11.33.01 gij52317108
OR11.26.01 gij52317111
OR03.01.01 gij52317114
OR01.01.03 gij52317117
OR11.32.01 gij52317120
OR11.40.03 gij52317124
OR03.01.02 gij52317126
OR11.40.06 gij52317128
OR11.32.02 gij52317130
OR11.35.03 gij52317132
OR11.40.07 gij52317134
OR11.35.02 gij52317136
OR11.39.04 gij52317138
OR11.11.05 gij52317140
OR11.35.01 gij52317142
OR11.11.02 gij52317144
OR11.11.07 gij52317146
OR11.06.03 gij52317150
OR11.03.01 gij52317154
OR19.03.01 gij52317162
OR09.06.02 gij52317166
OR11.41.02 gij52317168
OR09.04.02 gij52317170
OR11.48.04 gij52317172
OR11.41.01 gij52317174
OR01.09.05 gij52317176
OR11.42.03 gij52317178
OR09.01.06 gij52317180

99% Identical to the sequence used

OR11.48.05	gij52317182	
OR09.01.04	gij52317186	
OR11.22.02	gij52317194	
OR07.03.02	gij52317196	
OR01.03.01	gij52317200	
OR01.03.02	gij52317209	
OR01.03.05	gij52317213	
OR01.04.02	gij52317215	
OR01.03.04	gij52317219	
OR01.04.03	gij52317221	
OR01.04.04	gij52317223	
OR19.01.01	gij52317227	
OR11.49.04	gij52317230	
OR16.03.02	gij52317235	
OR11.49.14	gij52317237	
OR11.50.04	gij52317239	
OR11.50.05	gij52317241	
OR17.06.02	gij52317243	
OR11.50.02	gij52317245	
OR14.07.05	gij52317249	
OR14.07.02	gij52317251	
OR14.07.04	gij52317255	
OR14.01.01	gij52317257	
OR14.07.01	gij52317259	
OR11.40.02	gij52317261	
OR11.09.01	gij52317265	
OR11.10.01	gij52317269	
OR11.08.01	gij52317271	
OR11.05.01	gij52317273	
OR11.13.03	gij52353247	99% Identical to the sequence used
OR11.15.07	gij52353250	
OR11.15.04	gij52353252	
OR11.15.05	gij52353254	96% Identical to the sequence used
OR11.15.03	gij52353256	
OR11.18.02	gij52353258	
OR11.20.02	gij52353260	
OR11.17.02	gij52353262	
OR11.18.01	gij52353264	99% Identical to the sequence used
OR11.01.01	gij52353266	
OR11.17.03	gij52353268	
OR11.46.01	gij52353270	
OR11.44.01	gij52353274	
OR01.10.01	gij52353276	
OR11.45.02	gij52353278	
OR01.12.02	gij52353280	
OR19.04.05	gij52353282	
OR19.04.03	gij52353284	
OR11.38.06	gij52353286	
OR11.38.01	gij52353288	
OR11.31.03	gij52353290	
OR11.31.04	gij52353292	
OR11.31.05	gij52353294	
OR15.01.01	gij52353296	
OR11.39.01	gij52353298	
OR11.39.06	gij52353300	
OR11.39.03	gij52353304	

OR11.24.03	gij52353311
OR11.15.02	gij52353326
OR11.02.02	gij52353330
OR11.14.01	gij52353332
OR11.02.01	gij52353334
OR11.19.01	gij52353336
OR11.01.06	gij52353338
OR11.01.02	gij52353340
OR01.10.05	gij52353342
OR19.04.11	gij52353344
OR19.04.02	gij52353346
OR11.38.04	gij52353348
OR11.38.09	gij52353350
OR11.38.05	gij52353354
OR11.11.01	gij52353941
OR06.12.01	gij52421345
OR06.02.02	gij52421347
OR06.12.02	gij52421349
DUFFY	gij52426505
P2Y15	gij52426789
OR09.04.06	gij52546685
OR09.04.03	gij52546687
OR11.11.03	gij52546689
OR22.01.01	gij52546691
OR09.04.05	gij52546735
OR12.02.01	gij52546737
OR19.06.01	gij52546739
OR11.40.01	gij52546741
OR11.49.08	gij52627147
OR01.10.03	gij52627155
OR01.10.02	gij52627158
OR12.03.01	gij52627160
OR11.40.05	gij52627162
OR01.11.01	gij52627164
OR11.13.02	gij52627166
OR11.49.11	gij52627199
OR11.25.01	gij52627201
OR11.25.02	gij52627203
OR11.09.02	gij52627205
OR11.49.12	gij52627207
OR11.24.01	gij52627211
OR07.01.02	gij52627213
OR11.47.01	gij52627215
OR01.08.01	gij52693915
OR01.03.03	gij52693917
OR11.45.01	gij52693923
OR11.11.06	gij52693925
OR06.12.05	gij52693931
OR11.30.02	gij52693941
OR01.10.04	gij52693943
OR01.04.05	gij53793655
OR11.42.01	gij53793658
OR14.04.01	gij53793663
OR14.04.02	gij53793669
OR11.33.03	gij53793671
OR06.09.01	gij53793673

99% Identical to the sequence used

OR11.49.05	gi 53793679	
OR09.05.03	gi 53828661	
OR12.03.02	gi 53828666	
OR05.02.01	gi 53828670	
OR06.12.04	gi 53828672	
OR09.01.08	gi 53828674	
OR09.02.01	gi 53828676	
OR11.49.13	gi 53828680	
OR11.13.01	gi 53828683	
OR03.01.03	gi 53828688	
OR14.07.09	gi 53828692	
OR11.33.02	gi 53828696	
OR11.42.06	gi 53828700	
OR11.28.02	gi 53828705	
OR12.04.01	gi 53828708	
OR11.32.06	gi 53828710	
OR14.07.07	gi 53828714	
OR19.04.06	gi 53828729	
OR03.01.04	gi 53828732	
OR11.31.01	gi 53828734	
OR14.07.08	gi 53828736	
OR14.03.03	gi 53828744	
GPR7	gi 53828924	
OR06.01.01	gi 53850574	
OR09.03.01	gi 53850576	
OR11.33.04	gi 53933201	
FPRL1	gi 54112388	
GPR19	gi 5453666	
NPY5R	gi 5453796	
CHRM2	gi 54792109	
PTGER2	gi 5524235	
OR09.01.11	gi 55633303	98% Identical to the sequence used
OR11.40.04	gi 55636071	97% Identical to the sequence used
OR01.10.06	gi 55665059	98% Identical to the sequence used
OR10.01.01	gi 55665314	
HTR1A	gi 55956923	
GPR111	gi 55958806	
OR01.05.01	gi 55961958	
OR01.01.02	gi 55961963	
OR06.03.02	gi 55961976	99% Identical to the sequence used
PPYR1	gi 55975655	
CNR1	gi 56122284	
OPRM1	gi 56549097	
SSTR4	gi 5689779	99% Identical to the sequence used
GPR87	gi 57157102	
LEC1	gi 57165355	
OR06.04.02	gi 57209701	99% Identical to the sequence used
CYSLTR1	gi 5729798	
OR11.36.01	gi 5729960	
RRH	gi 5730019	
CXCR6	gi 5730106	
GPCR-2037	gi 57977305	
GPR75	gi 5803025	
ADORA2A	gi 5921992	
ADMR	gi 6005705	
FZD10	gi 6005762	

GPR	gij 6005772	
HRH3	gij 6005782	
OR06.03.01	gij 601919	
GPR110	gij 61743940	
GPR22	gij 62088120	
GPR154	gij 62123293	
GRM5	gij 625527	
LGR6	gij 62912472	
TSHR	gij 64085121	
MCHR2	gij 66267373	
RE2	gij 6677701	
GPCR23	gij 68163574	
EDG7	gij 6912348	
LEC2	gij 6912464	
NTSR2	gij 6912538	
OR01.09.03	gij 6912550	
OR17.02.02	gij 6912552	
OR16.02.01	gij 6912554	
OR16.01.01	gij 6912556	
OR11.16.01	gij 6912560	
G2A	gij 7019387	
CHRM5	gij 7108336	
VIPR2	gij 712837	
V1RL4	gij 71361647	
ADRA1A	gij 71565156	
GLP1R	gij 717034	99% Identical to the sequence used
OPN3	gij 71999131	
T2R59	gij 72533524	
T2R56/49	gij 72533586	
OR19.05.03	gij 7330337	
OR19.05.04	gij 7330339	
OR19.05.01	gij 7363439	
OR06.10.01	gij 7363441	
GPR126	gij 74048422	
OR16.03.03	gij 74760242	
MC2R	gij 75516485	99% Identical to the sequence used
OR11.47.02	gij 75516944	
OR06.11.02	gij 75517871	
CELSR1	gij 7656967	
GPR160	gij 7657136	
OR17.02.01	gij 7657421	
OR17.04.02	gij 7657423	
TACR3	gij 7669548	
MRGX4	gij 76828028	
RLN3R1	gij 7706103	
GPRC5B	gij 7706451	
CCR11	gij 7706769	
EMR1	gij 784994	
FZD3	gij 8393378	
T2R16	gij 8394395	
T2R3	gij 8394398	
T2R4	gij 8394402	
IEDA	gij 84662753	
GPR115	gij 84781719	
MRGE	gij 85986587	
LGR7	gij 85986601	

MCHR1	gi 88758590	
CCRL2	gi 88967526	
GPRC5D	gi 8923705	
C5L2	gi 8923873	
GPR31	gi 9453792	99% Identical to the sequence used
UTRII	gi 9506745	
SREB1	gi 9506747	
OR19.04.09	gi 9506799	
SREB3	gi 9507143	99% Identical to the sequence used
T2R5	gi 9507173	
T2R1	gi 9625043	
BLTR2	gi 9789897	
OPN1LW	gi 9910526	
GPR162	gi 9951913	
GPR84	gi 9966839	
CYSLTR2	gi 9966851	
GPR92	gi 9966879	
GRM2	gi 999416	
MRGG	NA	Obtained from human genome sequence, annotated in chimpanzee
OR01.01.04	NA	
OR07.01.06	NA	
OR11.27.01	NA	
OR11.40.08	NA	