

Table S1: RSPR for NOVA target exons with all other exons as control.^aThe exons with RSPR >3.0 or P_RSPR<0.001 marked in red.

GENE NAME	EXON	EXON LENGTH	RSPR	P_RSPR
<i>AGRN</i>	31a	24	2.414	2.40×10^{-05}
<i>ANK3</i>	31	103	1.661	6.20×10^{-13}
<i>APLP2</i>	12a	36	3.72	2.50×10^{-07}
<i>ATP13A4</i>	7	135	1.154	2.60×10^{-04}
<i>ATP2B1</i>	34	154	13.285	2.60×10^{-39}
<i>BCAS1</i>	9	42	1.323	6.50×10^{-02}
<i>BCAS1</i>	10	168	1.023	1.30×10^{-05}
<i>BCAS1</i>	11	66	1.712	9.20×10^{-03}
<i>BRD9</i>	5	116	1.435	4.20×10^{-04}
<i>CAMK2G</i>	13a	33	5.838	1.40×10^{-07}
<i>CAMK2G</i>	13b	69	8.878	4.30×10^{-08}
<i>CCDC9</i>	1a	105	1.008	9.30×10^{-02}
<i>CLASP1</i>	9	117	3.248	1.10×10^{-05}
<i>CLSTN1</i>	10	57	3.458	1.60×10^{-07}
<i>CP110</i>	14	60	1.685	6.60×10^{-06}
<i>CP110</i>	14a	86	3.53	4.40×10^{-08}
<i>DDR1</i>	13a	111	7.353	1.50×10^{-23}
<i>DNAJB5</i>	1a	145	11.997	5.70×10^{-13}
<i>EFNA5</i>	3a	81	16.562	1.00×10^{-21}
<i>EPB41L2</i>	12a	168	1.671	3.10×10^{-04}
<i>EPB41L2</i>	12b	54	1.339	2.30×10^{-02}
<i>EPB41L3</i>	16	123	1.481	1.30×10^{-12}
<i>EPHA5</i>	4a	66	3.851	2.80×10^{-08}
<i>GABRG2</i>	9	24	9.227	6.40×10^{-09}
<i>GLRA2</i>	3a	68	2.954	1.70×10^{-13}
<i>GPHN</i>	7a	99	1.959	2.00×10^{-04}
<i>GRIN1</i>	19	111	8.912	1.80×10^{-23}
<i>IGSF4A</i>	8	84	5.432	2.20×10^{-08}
<i>IGSF4B</i>	2	102	6.124	9.00×10^{-13}
<i>KCNQ2</i>	13	30	0.755	1.30×10^{-01}
<i>LRP1B</i>	79	99	1.929	2.60×10^{-10}
<i>MAP4K4</i>	22a	192	6.136	2.10×10^{-12}
<i>MAPK9</i>	7	72	4.012	7.40×10^{-14}
<i>MAPK9</i>	6a	72	4.809	1.50×10^{-10}
<i>NEO1</i>	27	159	3.641	3.50×10^{-18}
<i>NOVA1</i>	4	72	6.701	5.40×10^{-08}
<i>PLCB4</i>	36a	37	3.335	6.80×10^{-08}
<i>PTPRF</i>	19a	33	56.183	4.20×10^{-08}
<i>RAPLGA1</i>	27	78	3.846	1.60×10^{-07}
<i>SH2BPSM1</i>	9	100	4.083	3.80×10^{-11}
<i>SPNA2</i>	4	60	4.599	2.80×10^{-14}
<i>STXBP2</i>	3	82	1.024	3.00×10^{-04}
<i>TACC2</i>	10	141	2.636	2.70×10^{-12}
<i>TPM3</i>	6	76	1.527	2.60×10^{-06}
<i>TPM3</i>	6a	76	1.661	7.70×10^{-03}